**中国疾病预防控制中心2015年度博士后招收计划**

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **导师序号** | | **导师**  **姓名** | | **所在单位** | | **研究方向** | | **供博士后承担或参与研究项目名称** | | **招收人数** | | **对申请人背景要求** | |
| 1 | | 阚 飙 | | 传染病所 | | 病原生物学 | | 973课题“重要病原细菌关键生物学特性适应性进化机制的研究”（2015CB554200） | | 1 | | 具备微生物学和分子生物学的课题研究或教育背景。 | | |
| 2 | | 万康林 | | 传染病所 | | 结核病防治技术 | | 结核分枝杆菌表观遗传学研究（2011SKLID208，2014年1月-2016年12月），总经费90万元 | | 1 | | 病原生物学、分子流行病学等相关专业博士毕业 | | |
| 3 | | 张建中 | | 传染病所 | | 传染病诊断 | | 1.病原菌质谱鉴定的标志物识别与分析（项目编号：2014SKLID102）（传染病预防控制国家重点实验室重点项目）  2.幽门螺杆菌感染诊治的多种因素一次性检验技术平台的研究（No.2012BAI06B02）（“十二五”国家科技支撑计划项目） | | 2 | | 有分子生物学、病原学或飞行质谱技术相关研究背景。 | | |
| 4 | | 张永振 | | 传染病所 | | 动物源性疾病病原与宿主间的进化生态关系及其对传染病新发突发的影响 | | 1.鼠等啮齿类动物携带人类病原体的发现与分离鉴定、分布特点、遗传进化规律及其与人类疾病的关系（国家自然基金重大项目）  2.浙江和湖北等地区啮齿类动物携带冠状病毒情况调查(国家重大专项)  3.中国新型汉坦病毒的分子流行学研究（国家自然基金面上项目） | | 3 | | 有病原生物学，进化生物学，遗传学背景者优先。 | | |
| 5 | | 谭文杰 | | 病毒病所 | | 病原生物学 | | 1.中东呼吸综合症冠状病毒感染免疫学检测方法研究  2.急性呼吸道感染病毒组学与致病性研究  3.HBV感染免疫学与治疗性疫苗研究 | | 3 | | 30岁以下  有SCI论文发表 | | |
| 6 | | 舒跃龙 | | 病毒病所 | | 病原生物学 | | 1.监测发展计划  2.重要病毒在不同宿主中的复制机制  3.人感染新型流感防控技术研究 | | 1 | | 应具备良好的病原生物学或免疫学研究基础；SCI论文发表；有良好的英文书写和交流能力 | |
| 7 | | 毕胜利 | | 病毒病所 | | 肝炎病毒 | | 1.丙型肝炎疫苗免疫效果的中和抗体评价  2.乙型肝炎临床分子流行病学 | | 1 | | 有医学背景 | |
| 8 | | 董小平 | | 病毒病所 | | 朊病毒发病机理 | | 朊病毒跨种属传播机理研究 | | 1 | | 应具备良好的病原生物学或免疫学研究基础；并发表过SCI收录英文论文；应具有良好的英文书写和交流能力 | |
| 9 | | 许文波 | | 病毒病所 | | 医学病毒学 | | 1.发热呼吸道症候群病原检测方法的建立和应用  2.手足口病 | | 1 | | 分子生物学背景  32岁以下 | |
| 10 | | 刘宏图 | | 病毒病所 | | 免疫学 | | 重大传染病专项病原微生物检测 | | 1 | | 博士毕业，发表过SCI论文，要有独立的实验设计、数据总结和写作能力 | |
| 11 | | 段招军 | | 病毒病所 | | 病原生物学 | | 1.人轮状病毒感染与组织血型抗原相关性研究  2.呼吸道上皮细胞立体培养平台的构建及应用 | | 1-2 | | 1. 有较好的免疫学及动物试验基础   或2.有较好的细胞培养及分子生物基础  将从事腹泻病毒的肠道免疫及致病机制研究 | |
| 12 | | 侯云德 | | 病毒病所 | | 抗病毒治疗 | | 抗病毒细胞因子研发 | | 1 | | 分子生物学，药学，  病毒学，免疫学 | |
| 13 | | 曾 毅 | | 病毒病所 | | HIV基因治疗  HIV免疫治疗  肿瘤遗传因素  肿瘤治疗 | | 纳米技术应用于艾滋病基因治疗的研究  中国艾滋病患者的免疫治疗  食管癌遗传差异  食管癌HPV疫苗研究 | | 1 | | 分子病毒学、遗传学  医学院毕业更好 | |
| 14 | | 李德新 | | 病毒病所 | | 病毒免疫学 | | 病毒性出血热发病机制机制研究 | | 1 | | 博士毕业，发表过SCI论文，要有独立的实验设计、数据总结和写作能力 | |
| 15 | | 梁米芳 | | 病毒病所 | | 抗体工程 | | 抗原抗体复合物结构、分子对接及亲和力改造 | | 1 | | 博士毕业，发表过SCI论文，要有独立的实验设计、数据总结和写作能力 | |
| 16 | | 高福 | | 病毒病所 | | 病毒免疫学 | | 病毒感染的细胞免疫应答以及新发病毒生态与流行病学 | | 3 | |  | |
| 17 | | 周晓农 | | 寄生虫病所 | | 流行病学（空间流行病学、分子流行病学） | | 1．国家自然科学基金：我国边境疟疾传播扩散机制模型的研究；  2.传染病重大科技专项：重要寄生虫病监测技术研究；  3.英国DFID资助项目：中国控制疟疾和血吸虫病的经验总结与传播。 | | 3 | | 曾从事过流行病学或寄生虫病相关研究工作，医学统计或生物统计背景优先。 | | |
| 18 | | 曹建平 | | 寄生虫病所 | | 感染免疫及其调节机制、致病机制、寄生虫病疫苗研制和新发寄生虫病 | | 1.国家科技重大专项：寄生虫病病原谱流行规律及变异研究、特殊传染病诊断试剂研发；  2.国家自然科学基金：日本血吸虫感染晚期小鼠脾脏淋巴滤泡再形成及机制研究、细粒棘球蚴感染小鼠Mo-MDSC源免疫抑制相关分子的研究等；  3.国家卫生行业科研专项：肉源性、水源性寄生虫病监测和风险评估关键技术研究等。 | | 3 | | 发表SCI论文背景优先。 | | |
| 19 | | 吴尊友 | | 性艾中心 | | 艾滋病预防 | | 艾滋病高危人群的综合干预技术研究 | | 2 | | 流行病学与卫生统计学、社会学或人类学 | | |
| 20 | | 汪 宁 | | 性艾中心 | | 艾滋病流行病学 | | 十二五重大专项:流行规律与模型分析 | | 2 | | 1、分子流行病学  2、数学或统计学 | | |
| 21 | | 邵一鸣 | | 性艾中心 | | 免疫学 | | 预防性艾滋病疫苗研究（十二五重大专项，2012ZX10001008） | | 1 | | 有生物、免疫或医学研究学习背景和硕博士研究经历 | | |
| 疫苗 | | 预防性艾滋病疫苗研究（十二五重大专项，2012ZX10001008） | | 1 | | 有生物、免疫、疫苗或医学学习研究背景和硕博士研究经历 | | |
| 分子流行病学 | | HIV-1和HCV在中国注射吸毒人群中传播瓶颈的研究（国家自然基金，81361120407） | | 1 | | 有分子生物、流行病或医学学习研究背景和硕博士研究经历 | | |
| 流行病学模型 | | HIV/AIDS传播和疾病进展的数学模型研究（加拿大IDRC项目） | | 1 | | 有流行病，统计学或数学研究背景和硕博士研究经历 | | |
| 22 | | 徐东群 | | 环境所 | | 空气污染与健康 | | 雾霾天气人群健康风险评估和预警关键技术研究（201402022） | | 1 | | 具备环境卫生、统计和流行病专业知识，从事过相关工作 | |
| 23 | | 郑玉新 | | 职业卫生所 | | 毒理学、分子流行病 | | 国家自然科学基金重点项目-职业暴露柴油机尾气健康效应及生物标志物研究》 | | 1 | | 预防医学或生物学博士学位 | | |
| 24 | | 苏 旭 | | 辐射安全所 | | 放射医学与辐射防护 | | 国家科技支撑计划项目：核事故健康风险评估与卫生应急处置技术研究 | | 1 | | 放射医学与辐射防护 | | |
| 25 | | 孙全富 | | 辐射安全所 | | 辐射致癌风险评估 | | 国家科技支撑计划项目：核事故健康风险评估与卫生应急处置技术研究  中日合作：中日合作中国广东阳江地区放射流行病学研究 | | 1 | | 流行病或统计 | | |